ZKO392

Target Position: exon 2

Sense Strand Sequence
TGACCTGTTGCTCGTCGATCCCAATGAGATGTGTGGATTTGTCATAGCTCACATTTTGGGTGTC
CAGTATGCAGTATTTAGCACAGGACTGTGGTACCCTGCTGAAGTTGGGGCACCAGCTCCCCTA
TCTTATGTCCCGGAATTTAACTCTCTACTAACGGACCATATGTCGTTGTTTCAACGGGTAGCTAA
CACAGCGGTGTACCTAGTTTCCAGGTTTGGTGTCCAGTTCCTGGTTCTACCTAAATATGATCGC
ATTATGAGGAAGTACAACATCCAGCCATCTGTCTCCATGCACGATCTGGTTCAGAACAGTCGA
CTCTGGATGCTGTGTACTGACATGGCACTGGAGTTCCCACGACCAACTTTGCCACATGTTGTCT
ATGTAGGGGGCATCCTCACTAAACCTCCCAGCCCATTACCACAGgtaagaaaccactgctattatatttg
aaaatttttaaaggggtcctttccttttcattttaggatggtaaaatgttggtaaagctcaatgcaaaggg

Uppercase: Exon/coding sequence
Lowercase: intron/noncoding sequence
atcg : Forward/Reverse primer
atcg : cas9 target site

ZKO392a: 10bp deletion, 5bp insertion

```
CLUSTAL format alignment by MAFFT FFT-NS-i (v7.215)

WT              ACAGGACTGTGGTACCCTGCTGAAGTTGGGGCACCAGCTCCCCTATCTTATGTCCCGGAA
ZKO392a         ACAGGACTGTGGTACCCTGCTGAAGTTGGG-----TATATCCCTATCTTATGTCCCGGAA
                ******************************      .. .********************

WT              TTTAACTCTCTAC
ZKO392a         TTTAACTCTCTAC
                *************
```